



```

RESULT 2
US-09-662-254B-27
: Sequence 27, Application US/09662254B
: GENERAL INFORMATION:
: APPLICANT: Moyer, Richard W.
: APPLICANT: Li, Yi
: APPLICANT: Bawden, Alison Louise
: TITLE OF INVENTION: Materials and Methods for Delivery and Expression of Heterologous
: TITLE OF INVENTION: Vertebrate Cells
: FILE REFERENCE: UF-221C1XCI
: CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/662,254B
: CURRENT FILING DATE: 2000-09-14
: PRIOR APPLICATION NUMBER: 09/086,651
: PRIOR FILING DATE: 1998-05-29
: PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/224,479
: PRIOR FILING DATE: 2000-08-10
: NUMBER OF SEQ ID NOS: 80
: SOFTWARE: PatentIn version 3.1
: SEQ ID NO 27
: LENGTH: 32392
: TYPE: DNA
: ORGANISM: Amsacta moorei entomopoxvirus
US-09-662-254B-27

```

Query Match	2.5%	Score	56.6	DB	5	Length	32392
Best Local Similarity	44.0%	Pred. No.	0.00015				
Matches	427	Conservative	0	Mismatches	534	Indels	10
						Gaps	4

QY	1065	TTGCGAGAGCCATCACTTTTAAGGTGGAAGCTGGCAAGCTGATATATGATGCG	1124
Db	7205	TCTGGAAGTAAAAATTCATATATTTGAAGATGATAAAAATGTTATATATGTTAAAAA	7264
QY	1125	AAAAAGATGAAAAATCCCATAAAGAGATGTGAGCCCTTACAGTACAGACATGTAA	1184
Db	7265	TTTCAATTTTAAAAAATATATGATGATCTAAATTTGATATATCCATATGTGAGAAATTTAT	7324
QY	1185	TGATTTGAGAAATTTAGCGTTTAACTACACAAACATATGCAAAAATTTATATGCAA	1244
Db	7325	AAATTTAAATATTTAAGTGTGTGGAGCAAAAAACCTATATATAATGTAAATATTTAA	7384
QY	1245	AAATAAAAATGGAAGTTCACAGTTGTCTATTTGCTTTAAAGCAGATCTAAATGTCACC	1304
Db	7385	AAATATGATATATTTAAACATATATTTGAATTTTAAATATATATATTTAATGTTGAT	7444
QY	1305	AGAC--TCTGAAGATGCTGGGAAAAACAATGCTCCAGACTTTCAACAGAGAGAATAA	1361
Db	7445	AAACATATATGATTTAAAAATTTTAAAGACAAATTTAAATATTAATTTGTTGATATAA	7504
QY	1362	ATACAGCATATTCAGAGTGTGTGAC--CTGTTTAAATATCTGGAACCAAGGATACC	1419
Db	7505	ATTATTTAAATTTTCTACACAAATACCGAATGTTTAGACATATATATGATATAAATACAAAT	7564
QY	1420	GATCCTGACACT--TCTTAAAAACATATCAAAAAAGCTAATTGGAAGGGTTACAGGAA	1476
Db	7565	TATTAATTCATTTGAATATTTAACTAAATTAATTAATTAATTCATATATATTCATATAA	7624
QY	1477	AAAGGACAAAGCTATGAGTATAGTGGTCTAACAGACAAATTTGCGTGGCGCTACTCAG	1536
Db	7625	AATTAATAGTATATATGATATATTTAAATTCATGCAAAATTCACAAATATTAATATTTGTAC	7684
QY	1537	TTAGCAATATATATTTTCACTGATAGTGTGAATTAATTAAGGATTAACATAAGACTAT	1596
Db	7685	TAAATATATATATTCATTTTAAATATTTTAAAAACCTGTAAATATTAATAATATATGAATTT	7744
QY	1597	CATGTTTGGAGACATGAATGATAGTACTTGAACCTGCTAAATCCTTGTAGAAATAC	1656
Db	7745	AATTAATATTAATTAATAAATAAATAAATACGTTTGGATGTAAATATATATTAAGTTTAA	7804
QY	1657	GCATCAATAGTATCTCCACAGCTAACAGCTTATTTCTTATTCGGAATTAACAAT	1716
Db	7805	AAGTTTATTTTCAT--AAAAATGAAAAATATGCAATATATATATATATGAAAAATACGT	7862

RESULT 3  
US-10-603-114-615  
; Sequence 615, Application US/10603114

```

RESULT 3
US-10-603-114-615
: Sequence 615: Application US/10603114
: GENERAL INFORMATION:
: APPLICANT: GARY BRETON
: TITLE OF INVENTION: NUCLEIC ACID AND AMINO ACID SEQUENCES RELATING TO PROTEUS MIRA
: TITLE OF INVENTION: DIAGNOSTICS AND THERAPEUTICS
: FILE REFERENCE: 2709.1002-001
: CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/603.114
: CURRENT FILING DATE: 2003-06-24
: PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/543,681
: PRIOR FILING DATE: 2000-04-05
: PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/128,706
: PRIOR FILING DATE: 1999-04-09
: NUMBER OF SEQ ID NOS: 8344
: SEQ ID NO 615
: LENGTH: 1575
: TYPE: DNA
: ORGANISM: Proteus mirabilis
US-10-603-114-615

```

Query Match	2.3%	Score 53.2	DB 6	Length 1575
Best Local Similarity	45.6%	Pred. No. 0.00042		
Matches 187, Conservative	0	Mismatches 223	Indels 0	Gaps 0

Oy	1575	TAAAGTAACCAATAAAGCATATCATGTGGTTTGGAGCATGAATGATGTACTTTCAGAGT	1634
Db	549	TAACTTTATATCAAAATTAACTTTAGTGCAATATGAAGCACCCTGTAAGCAAACGANTAGAAA	608
Oy	1635	TGCTAAAAATCCCTTAGATACGCTCAAGATAGTATATCTCCACAGCTAACTGCACCTTGA	1694
Db	609	TGATAAATACTAACCTTAATACACGAAATGATTAATTTAACTTGGAAAAATGATATATATTA	668
Oy	1695	TTTTTTTATTCOCGATTAACAATAATATATCATCTCTTATTTGGAACCTAGTGCGATCCAGA	1754
Db	669	CTTGAAGAAATGATATATTTTAACTTAGAAAAATGATTAATTTAACTTAGAAAAATGATATAT	728
Oy	1755	AGATTTAGTTGATATTTTCGTATGAAGATTAaaaaaaGAGTTATACCTGTAACCTCATAA	1814
Db	729	TAACTTTGAAAATATGATATATTTAACTTAGAAAAATGATAAACTTTAACTTAaaaaatGTATA	788
Oy	1815	TTTAACTTGAAGAAAAACGGTGACTGGTTTACGTGGTGACAGACAACCTAAAGATTTCCATT	1874
Db	789	TATTTAACTTGAaaaatatATATgTTTAACTTAGAAAAATGATATATGTTTAACTTAGAAAAATGA	848
Oy	1875	TGAATTTGAATTTAAAAATATATAAGCAAGATTTGCTTCTCAACTGTTTAAACAGATAA	1934
Db	849	TAAATGTTAACTTTGAAAATATGATATATTTAACTTAGAAAAATGATAAACTTTAACTTAGAAAA	908

QY 1935 AACAACTCGATTGAAGATGCTAACCAACCATTAATTTAAACATG 1984  
DB 909 TCATATATATTAACCTTAGAAAATGATATCTAACTTAATATATAAAAAGG 958

RESULT 4  
US-10-357-930-10012

; Sequence 10012, Application US/10357930  
; GENERAL INFORMATION:  
; APPLICANT: Schlegel, Robert  
; APPLICANT: Endege, Wilson  
; APPLICANT: Monahan, John  
; TITLE OF INVENTION: NOVEL GENES, COMPOSITIONS, KITS, AND METHODS FOR  
; TITLE OF INVENTION: IDENTIFICATION, ASSESSMENT, PREVENTION, AND THERAPY OF  
; FILE REFERENCE: MRI-007BCN  
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/357,930  
; PRIOR FILING DATE: 2003-02-04  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 09/785,276  
; PRIOR FILING DATE: 2003-02-16  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/183,319  
; PRIOR FILING DATE: 2000-02-17  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/189,862  
; PRIOR FILING DATE: 2000-03-16  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/207,454  
; PRIOR FILING DATE: 2000-05-25  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/211,314  
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-09  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/219,007  
; PRIOR FILING DATE: 2000-07-18  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/255,281  
; PRIOR FILING DATE: 2000-12-13  
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 62232  
; SOFTWARE: FastSeq for Windows Version 4.0  
; SEQ ID NO 10012  
; LENGTH: 494  
; TYPE: DNA  
; ORGANISM: Homo sapiens  
US-10-357-930-10012

Query Match 2.3%; Score 53; DB 6; Length 494;  
Best Local Similarity 48.2%; Pred. No. 0.00033;  
Matches 149; Conservative 0; Mismatches 160; Indels 0; Gaps 0;

QY 1766 ATATTATTCGTATGAGATTAAGAAAGATTATACCTGTAATTTAAACATTTGA 1825  
DB 180 AATTATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA 239  
QY 1826 GAAAAACGTGACTGTTAGCTGGTGACAGAACTRAAGATTTCCATTGGAATTTGAA 1885  
DB 240 AAAAAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA 299  
QY 1886 TAAAAAATATATAGCAAGATTTGCTTCTCAACCTGTTAAACAGATTAACAAACCTCG 1945  
DB 300 AAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA 359  
QY 1946 AATTATTAAGATGTAAGCAACCACTTAATTTAAACATGGAAGATTAAACACTTCAAG 2005  
DB 360 TATTAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA 419  
QY 2006 GTTTCAGCAAGATTTCTTCTCTGTCGTAAGAAACAGATTTGAGGCTTAAGGTTA 2065  
DB 420 TAAAAAACAAATAATATATATTTTAAAAAATATATTAATATATATATATATATAT 479  
QY 2066 AAGTTAATA 2074  
DB 480 AATATATATA 488

RESULT 5  
US-10-257-166B-113/c  
; Sequence 113, Application US/10257166B

; GENERAL INFORMATION:  
; APPLICANT: OLEK, Alexander  
; APPLICANT: PIEPENROCK, Christian  
; APPLICANT: BERLIN, Kurt  
; TITLE OF INVENTION: Method and Nucleic Acids for Analysing the Methylation of  
; TITLE OF INVENTION: Genes Implicated in Pharmacogenomics  
; FILE REFERENCE: 5013.1011  
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/257,166B  
; CURRENT FILING DATE: 2002-10-07  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07470  
; PRIOR FILING DATE: 2001-06-29  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7  
; PRIOR FILING DATE: 2000-06-30  
; PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1  
; PRIOR FILING DATE: 2000-09-01  
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 178  
; SEQ ID NO 113  
; LENGTH: 6106  
; TYPE: DNA  
; ORGANISM: Homo sapiens  
; OTHER INFORMATION: Chemically treated genomic DNA  
US-10-257-166B-113

Query Match 2.3%; Score 52.4; DB 6; Length 6106;  
Best Local Similarity 46.7%; Pred. No. 0.001;  
Matches 271; Conservative 0; Mismatches 301; Indels 8; Gaps 3;

QY 1544 TATATATTTCTACTGATGCTGATTAAGATTAAGATTAAGATTAAGATTAAGATTAAG 1603  
DB 2939 TATATATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2880  
QY 1604 TTGGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1663  
DB 2879 ATATATCAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 2820  
QY 1664 ATAGTATTCCTCCACGCTACGACCTGATTTCTTATTCGATTAACATTAATTAATTC 1723  
DB 2819 TTAAT-ATAATATATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2761  
QY 1724 AATCTCTTATGGAACCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG 1783  
DB 2760 ATATATTTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 2701  
QY 1784 ATAAAAAGAGATTATACCTGTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1843  
DB 2700 ATATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA 2646  
QY 1844 TAGCTGTCAGCAAGCACTTAAGATTTCCATTGCAATTTGAATTAATAAATAAATAA 1903  
DB 2645 CTCTTAATAAACAACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA 2586  
QY 1904 AATTGCTTCTCAAACTGTTAAACAGATTAACAAACCTGATTAAGATGTAAG 1963  
DB 2585 AACTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 2526  
QY 1964 CAACATTAATTTAAACATGGAAGATTTAAACACTTCAAGGTTTACCAAGGTTTAT 2023  
DB 2525 CAAAAACAATAATCAAAAAACCAATCAAAAACTTAACCAATTTCCAAATTAATAA 2466  
QY 2024 CTTACCTGTCAGCAAGCAAGATTTGCAAGGCTATTAAGTTAAGTTAATTAAGTAA 2083  
DB 2465 ATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 2408  
QY 2084 TAGCAATGCTACAGTTTCAAAAAACGAGATTAACAGTGA 2123  
DB 2407 TAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA 2368

RESULT 6  
US-09-662-254B-26/c  
; Sequence 26, Application US/09662254B  
; GENERAL INFORMATION:

APPLICANT: Moyer, Richard W.  
APPLICANT: Li, Yi  
APPLICANT: Bawden, Alison Louise  
TITLE OF INVENTION: Materials and Methods for Delivery and Expression of Heterologous  
FILE REFERENCE: UF-221C1X1  
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/662,254B  
PRIOR FILING DATE: 2000-09-14  
PRIOR APPLICATION NUMBER: 09/086,651  
PRIOR FILING DATE: 1998-05-29  
PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/224,479  
NUMBER OF SEQ ID NOS: 80  
SOFTWARE: PatentIn version 3.1  
SEQ ID NO: 26  
LENGTH: 50000  
TYPE: DNA  
ORGANISM: Amsacta moorei entomopoxvirus  
US-09-662-254B-26

Query Match 2.3%; Score 52.2; DB 5; Length 50000;  
Best Local Similarity 44.0%; Pred. No. 0.0023;  
Matches 222; Conservative 0; Mismatches 283; Indels 0; Gaps 0;

QY 1620 TAGACTTTAGCACTTGTCTAAATCCTTGTAATACGCTCAAGATGTAATCCTCCACA 1679  
DB 4976 TAAATATTTTCACTAATTAATTCGATTAATAATATTAATGAATTAATAGTATTTT 4917  
QY 1680 GCTAATGACCTTATTTCTTATTCGAAATACAAATTAATCAATCTCTATTGGAAC 1739  
DB 4916 AATATATGAATAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 4857  
QY 1740 TCACTGACATCCAGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1799  
DB 4856 AGACAGCTTACAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 4797  
QY 1800 ACCGTATCACTATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1859  
DB 4796 AGATATTTAAATAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 4737  
QY 1860 TAAAGATTTTCATTTTGAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1919  
DB 4736 TTAATGTTTGGATATACAAAGAACTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 4677  
QY 1920 TGTAAACAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1979  
DB 4676 AATATAAATAAAGTTATATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 4617  
QY 1980 ACATGGGAAAGTTTAACCTTCAAGTTTACCAAGAGTTTCTTACCTGTCAAGA 2039  
DB 4616 CAATGAAATAAAGCTATTTATGTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 4557  
QY 2040 AACAGATTTGAAAGGCTATAAGTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 2099  
DB 4556 TACAAAGATTTGCTTAAGATTTTCAAAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 4497  
QY 2100 TTCAAAAACAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 2124  
DB 4496 TAGAAATTAAGCTTTAAATAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 4472

RESULT 7  
US-10-603-114-707/c  
Sequence 707, Application US/10603114  
GENERAL INFORMATION:  
APPLICANT: GARY BRETON  
TITLE OF INVENTION: NUCLEIC ACID AND AMINO ACID SEQUENCES RELATING TO PROTEUS MIRABILIS  
DIAGNOSTICS AND THERAPEUTICS  
FILE REFERENCE: 2709.1002-001  
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/603,114  
CURRENT FILING DATE: 2003-06-24  
PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/543,681  
PRIOR FILING DATE: 2000-04-05

PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/128,706  
PRIOR FILING DATE: 1999-04-09  
NUMBER OF SEQ ID NOS: 8344  
SEQ ID NO 707  
LENGTH: 429  
TYPE: DNA  
ORGANISM: Proteus mirabilis  
US-10-603-114-707

Query Match 2.3%; Score 51.4; DB 6; Length 429;  
Best Local Similarity 46.5%; Pred. No. 0.0008;  
Matches 166; Conservative 0; Mismatches 191; Indels 0; Gaps 0;

QY 1628 TAGCAGTTCCTAAATCCTGTGAAATACGCTCAAGATGTAATCCTCAAGCTAATG 1687  
DB 385 TAGAAATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 326  
QY 1688 ACCTGATTTCTTATTCGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1747  
DB 325 ATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 266  
QY 1748 ATCCAGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1807  
DB 265 ATATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 206  
QY 1808 CTCATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1867  
DB 205 ATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 146  
QY 1868 TCCATTTTGAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1927  
DB 145 AAAATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 86  
QY 1928 CAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1984  
DB 85 TAGAAATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 29

RESULT 8  
PCT-US03-07174-10/c  
Sequence 10, Application PC/TUS0307174  
GENERAL INFORMATION:  
APPLICANT: VANDERBILT UNIVERSITY  
TITLE OF INVENTION: ARRESTIN GENE, POLYPEPTIDE, AND METHODS OF USE THEREOF  
FILE REFERENCE: N9267  
CURRENT APPLICATION NUMBER: PCT/US03/07174  
PRIOR FILING DATE: 2003-05-12  
PRIOR APPLICATION NUMBER: 10/094,240  
NUMBER OF SEQ ID NOS: 27  
SOFTWARE: PatentIn Ver. 2.1  
SEQ ID NO 10  
LENGTH: 4985  
TYPE: DNA  
ORGANISM: Anopheles gambiae  
PCT-US03-07174-10

Query Match 2.3%; Score 51.2; DB 1; Length 4985;  
Best Local Similarity 43.9%; Pred. No. 0.002;  
Matches 266; Conservative 0; Mismatches 338; Indels 2; Gaps 1;

QY 1324 AAAACAATGACCTCCAGACTTACCAACAGAGTAATAATCACTATATGAGGTGCT 1383  
DB 2924 ATATATATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2865  
QY 1384 GACCTTTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1443  
DB 2864 AATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2805  
QY 1444 ATCAAAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 1503  
DB 2804 AAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTA 2745



```

OTHER INFORMATION: Identity of nucleotide sequences at the above locations are
US-10-603-113-3504

Query Match      2.2%; Score 49.4; DB 6; Length 1233;
Best Local Similarity 45.6%; Pred. No. 0.0037;
Matches 173; Conservative 0; Mismatches 206; Indels 0; Gaps 0;

OY      1842 TTTCAGTGGGAGCAGCACTAAAGATTTCCATTTTGGAAATGGAATTAATAATATAGCA 1901
DB      615 TTTCAGTGGGATTTAACTAATGCTGAATTAATTTTAATAAACCTTAAGATTTACATCC 674
OY      1902 AGAATTCCTTTCTCCAACTGTTTAAACAGATTAACCAACCTCGAATTTAAAGATGTAA 1961
DB      675 AGATAATAGTTATGCTATATATTCATATTAGCTGTGATCAGTTATTAATAATGACAAATTTGA 734
OY      1962 AGCACCATTATTTAAACATGGGGAAGTTTACACTTCAGAGTTTACCAGAGTTA 2021
DB      735 ATTAGCTAATGMAAAATTCACCTGAGAGCTAATTTAAATTCACACAGAGTTCC 794
OY      2022 TTTCACCTGTCGAAGAACAGATTCCTGGAAGCTATAAAGSTTTAAAGTTATAGCCAGA 2081
DB      795 TAATTAATTTATGTCATAATTTTAGCTGATAAAGGTGATTTCAAGGTCCTGTATAACAAATT 854
OY      2082 AGTAGCAAAATGCTACAGTTTCMAAACAGGAATTAACAAGTGATGAGACACTTGCTTTGA 2141
DB      855 TGAATTCGCTTCGTAGATTACAGAAACACTGATAGATTTCTTGCTGGACATTTACCATT 914
OY      2142 AAAATAATTAAGAGCGCTTGTTGCTCTACAGAGGTGATCAAAAGTTCATAGGCTATACAG 2201
DB      915 AATTAATGAAGCAACGCTTATCTAGAGAACTTTTAGAAAATAATTTGGTGAAGCTGAGA 974
OY      2202 TTTCATAGTATTCGCTGCT 2220
DB      975 ATTATTAAGTAAGACTTGT 993

RESULT 12
US-10-257-166B-174/c
: Sequence 174, Application US/10257166B
: GENERAL INFORMATION:
: APPLICANT: OLEK, Alexander
: APPLICANT: PIRENBROCK, Christian
: APPLICANT: BERLIN, Kurt
: TITLE OF INVENTION: Method and Nucleic Acids for Analysing the Methylation of
: FILE REFERENCE: 5013.1011
: CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/257.166B
: PRIOR FILING DATE: 2002-10-07
: PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/EP01/07470
: PRIOR FILING DATE: 2001-06-29
: PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10032529.7
: PRIOR FILING DATE: 2000-06-30
: PRIOR APPLICATION NUMBER: DE 10043826.1
: PRIOR FILING DATE: 2000-09-01
: NUMBER OF SEQ ID NOS: 178
: SEQ ID NO 174
: LENGTH: 9728
: TYPE: DNA
: ORGANISM: Homo sapiens
: FEATURE:
: OTHER INFORMATION: chemically treated genomic DNA
US-10-257-166B-174

Query Match      2.1%; Score 48; DB 6; Length 9728;
Best Local Similarity 52.0%; Pred..No. 0.016;
Matches 132; Conservative 0; Mismatches 120; Indels 2; Gaps 1;

OY      1866 TTTCACATTTGAATGATGATTAATAAAATTAATTAAGCAAGATTCGTTTCTCAACTGTTAA 1925
DB      8753 TTTCCTAATTAACCTTATTTCAAAAAAAATTAATTTTCTTTCTTCCAAATATATA 8694
OY      1926 ACAGATTAACAAACCTCGAATTTTAAAGATGTGAAGCAACCATTAATTTAAACATGCG 1985

```

```
Db      8693  AAAAACTTAAAAAATATATACACAAATTTATACACATATTTACCCAAATTT 8634
Oy      1986  GGAAGTTAACCTTCAAGTTTACGAGAGTTATCTTACCTTGCAAGAAAGCA 2045
Db      8633  TAAAAAACA--CAATTTTATACCTTAAATTTCTAAACATTTACCCAAAAATA 8576
Oy      2046  TTCTGAAGCTATATAGTTAAGTTATAGCCAGAAATGCTAGCAATGCTTCAAA 2105
Db      8575  CCAAAAAAACCTCAAAACCAATATATATACCTATATATCTTACACCTTTAAA 8516
Oy      2106  AACAGGATTAACA 2119
Db      8515  AACCAAAATAAAA 8502

RESULT 13
US-09-662-254B-27/c
; Sequence 27, Application US/09662254B
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Moyer, Richard W.
; APPLICANT: LI, Yi
; APPLICANT: Bawden, Alison Louise
; TITLE OF INVENTION: Materials and Methods for Delivery and Expression of Heterologous
; FILE REFERENCE: UF-221C1XCI
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/662,254B
; PRIOR FILING DATE: 2000-09-14
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 09/086,651
; PRIOR FILING DATE: 1998-05-29
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/224,479
; PRIOR FILING DATE: 2000-08-10
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 80
; SOFTWARE: PatentIn version 3.1
; SEQ ID NO 27
; LENGTH: 32392
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Amsacta moorei entomopoxvirus
US-09-662-254B-27

Query Match      2.1%; Score 47.8; DB 5; Length 32392;
Best Local Similarity 42.5%; Pred. No. 0.027;
Matches 311; Conservative 0; Mismatches 417; Indels 3; Gaps 1;

Oy      1543  ATATATTTTTCAGTATGTCGCAATTTAGTAGTAACCTAAAGACATGAGT 1602
Db      16252  ACAATATATGACTTATAGTAGATGTATTTAGAAATATCAATATATATTC 16193
Oy      1603  TTGGAGACATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1662
Db      16192  GTTGATTCGAAACATAGAAATATGATATATATATATATATATATATAT 16133
Oy      1663  GATGATATCTCTCCACAGCTTACGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1722
Db      16132  GAAATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 16073
Oy      1723  CAATCTCTTATGAGTACGTCAGTGCAGATGATGATGATGATGATGATGAT 1782
Db      16072  AATGTTTTTAAATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 16013
Oy      1783  GATAAAAAAGAGTATCTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 1842
Db      16012  AATTTTATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 15953
Oy      1843  TTACGT--GGTGACAGACTTAAAGATTTCCATTTTGAATTTGAATTTAA 1899
Db      15952  ATTAATTTATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 15893
Oy      1900  CAAGATTCCTTTCACAGCTGTTAAACAGATAAACAACCTGATTTAAAGAT 1959
Db      15892  TTTAAATATGATTTTCACTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 15833
Oy      1960  AAAGCAACATTAATTTTAAACATGCGAAAGTTTAAACATGATGATTTAC 2019
```

```
Db      15832  AAATATATTTCTAATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 15773
Oy      2020  TATTTTACCTTGTCAAGAAACAGATTTCTGAGCTTTAAGTTAATATAGCC 2079
Db      15772  TATTTTTCGATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 15713
Oy      2080  GAAGTGAATATGCTACAGTTTCAAAAACAGAAATATACAGATGATGATGAT 2139
Db      15712  GAATTAATATAGTATACGCTGATATATATATATATATATATATATATAT 15653
Oy      2140  GAAATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 2199
Db      15652  CAACAAATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 15593
Oy      2200  GCTTGAATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 2259
Db      15592  TTTATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 15533
Oy      2260  AGAAACATGA 2270
Db      15532  ATAAAAATTTA 15522

RESULT 14
US-10-603-113-4755
; Sequence 4755, Application US/10603113
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Keith Weinstock et al
; TITLE OF INVENTION: NUCLEIC ACID AND AMINO ACID SEQUENCES RELATING TO CANDIDA ALBI
; FILE REFERENCE: 107196.132
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/603,113
; PRIOR FILING DATE: 2003-06-24
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US/09/248,796
; PRIOR FILING DATE: 1999-02-12
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 28206
; SEQ ID NO 4755
; LENGTH: 642
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Candida albicans
US-10-603-113-4755

Query Match      2.1%; Score 46.8; DB 6; Length 642;
Best Local Similarity 46.6%; Pred. No. 0.014;
Matches 150; Conservative 0; Mismatches 172; Indels 0; Gaps 0;

Oy      1860  TAAAGATTTCCATTTTGAATTTGAATTTGAATTTGAATTTGAATTTGAAT 1919
Db      315  TAAATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 374
Oy      1920  TGTTAACACAGATTAACAAACCTGCAATTTTAAAGATGCTAAGCAACCAT 1979
Db      375  TGTGATATATCAAGAAAGAAACAAATTAATGAAATGATGATGATGATGAT 434
Oy      1980  ACATGGGAAAGTTTAACTTCAAGTTTCCAGAGTATATCTTCTGTCAGAA 2039
Db      435  GAATTAACAGTATCAATTAATGATTTTAAATCAAAACATATACATTAAC 494
Oy      2040  AACAGATTTCTGAGGCTTAAAGTTTAAAGTTTAAAGTTTAAAGTTTAAAG 2099
Db      495  CAATCTACATCAATCAATATATATATATATATATATATATATATATAT 554
Oy      2100  TTCAAAACAGAGATTAACAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2159
Db      555  TAAATGAACTTCAAGATCAATTAAGAAATGATTAATTAACATTAATTAAT 614
Oy      2160  TGTTCCTACAGAGTTGATCA 2181
Db      615  TGATCTACAGAGAGAGAGAA 636

RESULT 15
US-60-480-6069
```

